

2024年6月11日

報道機関 各位

国立大学法人東北大学

## 口腔粘膜からの遺伝性ジストニア関連情報を確認 —新たな非侵襲的診断ツールとして期待—

### 【発表のポイント】

- 遺伝性ジストニア *DYT-KMT2B* (注1) は小児期に下肢のジストニアより発症する疾患であり、根治療法は存在しませんが、発症早期に介入することによって運動機能予後は改善するため、早期の診断が有用です。
- 口腔粘膜から採取したサンプルについて検討したところ、*H3K4me3* (注2) と呼ばれるマーカーが遺伝性ジストニア *DYT-KMT2B* の患者群で有意に低下していました。
- *H3K4me3* 低下の傾向は発症早期でより強くみられることと、簡便で侵襲性が低いという特性とあわせ、本疾患の早期診断スクリーニング検査への応用が期待されます。

### 【概要】

遺伝性ジストニア *DYT-KMT2B* は、*DYT28* と呼ばれる比較的稀な疾患です。主に小児期に下肢のジストニアとして発症し、根治療法は存在しないものの発症早期に適切な介入を行うことにより、歩行能を含めた運動機能予後は改善しうることが知られています。そのため早期の診断が求められますが、診断は全エクソーム解析 (注3) やメチル化 DNA 解析 (注4) などの遺伝子解析を要することから、簡便ではないという課題があります。

東北大学大学院医学系研究科神経内科学分野 菅野直人 (すげのなおと) 助教らの研究グループは、東京都立神経病院神経小児科の熊田聡子 (くまださとこ) 部長らとの共同研究において、*DYT-KMT2B* 患者およびコントロール (対照群) 由来の口腔粘膜サンプルを用いて、*H3K4me3* というマーカーが患者群で有意に低下していることを突き止めました。

口腔粘膜の採取は低侵襲でしかも簡便であることから本疾患のスクリーニング法としての応用が期待されます。

本研究結果は、2024年5月27日に医学分野の専門誌 *Parkinsonism & Related Disorders* のオンライン版に掲載されました。

## 【詳細な説明】

### 研究の背景

遺伝性ジストニア DYT-KMT2B は KMT2B<sup>(注5)</sup> の遺伝子異常によってもたらされ、DYT28 とも呼ばれる比較的稀な疾患です。KMT2B はハプロ不全遺伝子<sup>(注6)</sup> であり、これまでに報告されてきた多くの遺伝子変異が KMT2B タンパクの機能不全をもたらしていると考えられています。

また、KMT2B はメチル転移酵素<sup>(注7)</sup> であり、その代表的な基質はヒストン H3<sup>(注8)</sup> です。具体的には H3 の 4 位のリジン残基 (K4) に 3 つのメチル基を付加 (トリメチル化: me3) することによって、H3K4me3 を形成します (図 1)。

H3K4me3 は遺伝子発現制御において非常に重要なヒストン修飾となり、いわゆるエピゲノム<sup>(注9)</sup> 機構の中核となります。H3K4me3 の低下は、その下流において標的となる遺伝子の発現が抑制されていることを意味します。

このように、H3K4me3 は生命活動の至る所で重要であることから、その程度は多くの因子によって制御されています。事実、H3K4 のメチル転移酵素は 6 種存在し、H3K4me3 がどのメチル転移酵素を主として用いているかは細胞種によって異なります。

### 今回の取り組み

はじめにインフォマティクス解析<sup>(注10)</sup> で H3K4me3 に対して KMT2B への依存度が高い細胞を検索したところ、口腔粘膜を構成する細胞がこの条件に該当することがわかりました。次に、DYT-KMT2B 12 例とコントロール 12 例において口腔粘膜由来サンプルを用いて H3K4me3 を検討したところ、DYT-KMT2B 群では有意に低下していました (図 2,  $p < 0.001$ )。さらに、この傾向はジストニア発症からの期間が短いほど顕著であり、発症早期での疾患群選択性により優れていることを明らかにしました。

### 今後の展開

DYT-KMT2B は比較的稀な疾患ですが、遺伝性ジストニアの中では高頻度で発症することが知られています。臨床的にジストニアを主な症状とした疾患であることがわかった場合、これまでは診断のために次世代シーケンサーを用いた検索が必要でしたが、今後は口腔粘膜によるスクリーニングによって診断できる可能性があります。

特に本疾患でみられる遺伝子変異の種類は多岐に渡り、新たに見出された遺伝子の差異が個性の範疇なのか、それとも疾患に結びつくのかの判定はしばしば問題となります。将来的に、口腔粘膜を用いた検査が意義付け不明のバリエーション (Variant of Unknown Significance: VUS)<sup>(注11)</sup> を判定する根拠のひとつとなる可能性があります。今後、より判定の精度を高めるため H3K4me3 に付随

して変化しうる他のヒストン修飾を組み合わせることで検討を重ねていく予定としています。

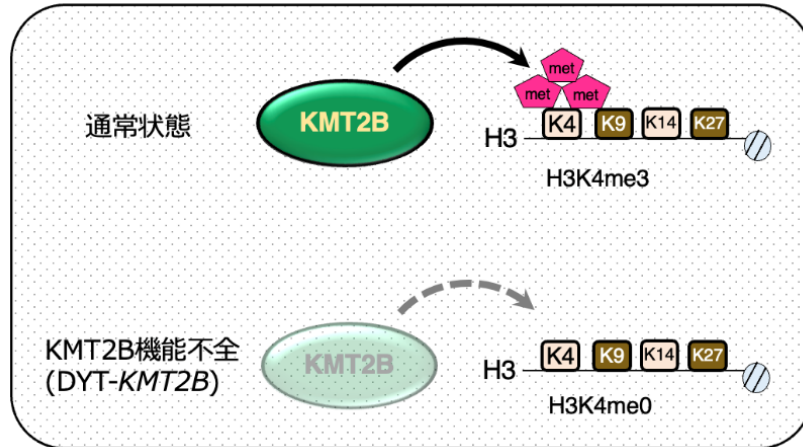


図 1. メチル転移酵素 KMT2B の機能。KMT2B はヒストン H3 タンパクの 4 位のリジンをトリメチル化します (met, H3K4me3)。KMT2B の機能不全が、他のメチル転移酵素で補われない場合には、H3K4 のメチル化が生じません (=H3K4me0)。H3K4me3 は転写活性化に密接に関わることより、その低下は関連する遺伝子が発現できないこと、つまり本来の細胞機能が発揮されないことを示唆します。

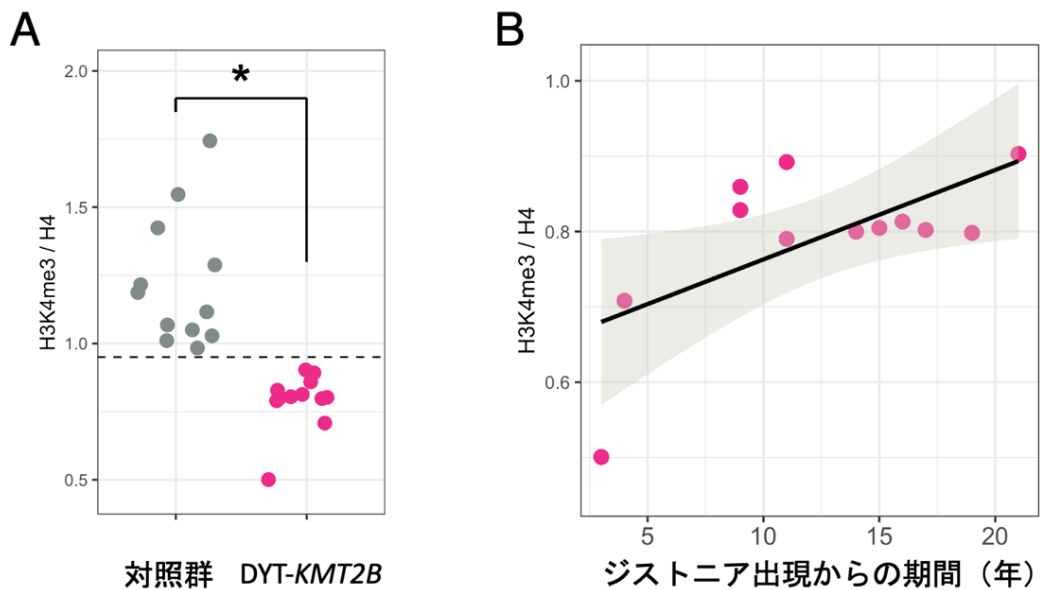


図 2. (A) 遺伝性ジストニア DYT-KMT2B では、対照群に比して H3K4me3 の低下がみられました (\* :  $p < 0.001$ 、H3K4me3 は内部標準の H4 で補正されています)。(B) H3K4me3 の低下は、DYT-KMT2B の運動症状出現からの期間が短いほどより強くみられました ( $p=0.03$ )。

#### 【謝辞】

本研究は科学研究費助成事業 基盤 B (JP23H02829)・基盤 C (JP20K07862, JP24K10614, JP20K07896, JP23K06823, JP20K07907)・若手研究 B (JP23K14769)・若手研究 (JP22K15646)・若手研究 (スタートアップ) (JP23K19557)・国立研究開発法人日本医療研究開発機構 (AMED) (JP23ek0109674, JP23ek0109549, JP23ek0109617, JP23ek0109648, JP22ek0109549) の支援を受けて行われました。

#### 【用語説明】

- 注1. 遺伝性ジストニア DYT-KMT2B : ジストニアは、体の筋肉が意図によらず過剰に緊張した結果、異常な姿勢や運動をきたす状態。遺伝性ジストニアに関連する遺伝子は *dystonia* (ジストニア) より最初の 3 文字をとり DYT(番号)として表記されてきたが、近年は疾患背景を理解しやすくするため、the Movement Disorders Society (国際運動障害学会) により DYT- (遺伝子名) とすることが推奨されている。本疾患は *KMT2B* 遺伝子異常にもとづくジストニアであることから DYT-KMT2B と呼ばれる。遺伝性ジストニアの頻度は 10 万人あたり 16 人とされ、その中で単一遺伝子の異常が検出されたのが 19%であり、その内訳としてもっとも頻度が高い (9%) のが DYT-KMT2B である (Zech M., et al. Lancet Neurology 2020)。
- 注2. H3K4me3 : DNA は H3, H4, H2A, H2B によって構成されるコアヒストンに巻き付くことによりヌクレオソームを形成する。コアヒストンタンパクのメチル化やアセチル化といった修飾によって、DNA と転写に関わる因子との関係は変化する。中でも H3 の修飾は影響力が大きく、本タンパク質の 4 位のリジン残基 (K4) に 3 つのメチル基を付加 (トリメチル化 : me3) は H3K4me3 と呼ばれ、関連する遺伝子の転写効率に正の影響を与える。
- 注3. 全エクソーム解析 : 次世代シーケンサーを用いた遺伝子解析のひとつ。ゲノム全体ではなく、遺伝子情報がコードされる部位 (エクソン) のみを解析する手法。
- 注4. DNA メチル化解析 : DYT-KMT2B では DNA メチル化のパターンに特有の変化を生じることが知られている。解析にはバイサルファイト法を組み合わせた次世代シーケンサー、または遺伝子アレイが必要となる。
- 注5. KMT2B : リシンメチル基転移酵素 (Lysine Methyltransferase: KMT) (注7)

のひとつである。KMT2Bはショウジョウバエからヒトに至るまで広く保存される機能性タンパク質であり、ヒストン H3 のメチル化 (H3K4me3)<sup>(注2)</sup> を担う。

- 注6. ハプロ不全遺伝子：遺伝子是对となっているため、二つあるアレルの一方に機能喪失変異があっても、もう一方のアレルで十分なタンパクを得られれば細胞全体としての機能は保たれる。しかし、十分なタンパクを得られない場合には表現型を呈することとなりハプロ不全と呼ばれる。
- 注7. メチル転移酵素：標的となるタンパク質のリジン残基やアルギニン残基にメチル基を付加する酵素の総称である。
- 注8. ヒストン H3：コアヒストンを構成するタンパク質のひとつである（参考：注2）。
- 注9. エピゲノム：我々の体を構成するすべての細胞は同じゲノム DNA を有している。にも関わらず、神経細胞や皮膚の細胞など違いを生じるのは、それぞれの遺伝子 DNA からつくられる RNA の量が厳密に調整されているため。このしくみはエピゲノムと呼ばれ、本研究で取り扱うヒストン修飾はその中心的役割を担う。
- 注10. インフォマティクス解析：生物の活動を計算機を用いて解析する手法。ここでは、体の各部位を構成する細胞毎の遺伝子発現プロファイルを参照し、KMT2B の発現分布を各細胞間で比較した。
- 注11. 意義付け不明のバリエーション (Variant of Unknown Significance: VUS)：疾患との関連について、判断できるだけの十分な情報が集まっていない遺伝子多型を指す。

#### 【論文情報】

Title: Reduced histone H3K4 trimethylation in oral mucosa of patients with DYT-KMT2B

Authors: Naoto Sugeno\*, Satoko Kumada, Hirofumi Kashii, Jun Ikezawa, Toshitaka Kawarai, Takaaki Nakamura, Ako Miyata, Shun Ishiyama, Kazuki Sato, Shun Yoshida, Hutoshi Sekiguchi, Kohei Hamanaka, Satoko Miyatake, Noriko Miyake, Naomichi Matsumoto, Hiroyuki Akagawa, Kenjiro Kosaki, Hiroshi Yoshihashi, Takafumi Hasegawa, Masashi Aoki

\*責任著者：東北大学大学院医学系研究科 神経・感覚器病態学講座神経内科学 分野 助教 菅野 直人

掲載誌: Parkinsonism & Related Disorders Volume 124, July 2024.

DOI: doi.org/10.1016/j.parkreldis.2024.107018

URL: <https://www.sciencedirect.com/science/article/pii/S1353802024010307>

**【問い合わせ先】**

（研究に関すること）

東北大学大学院医学系研究科神経内科学分野

助教 菅野 直人（すげの なおと）

TEL: 022-717-7189

Email: sugeno@med.tohoku.ac.jp

（報道に関すること）

東北大学大学院医学系研究科・医学部広報室

東北大学病院広報室

TEL: 022-717-8032

Email: press@pr.med.tohoku.ac.jp